

(19) 日本国特許庁 (J P)

(12) 公開特許公報 (A)

(11) 特許出願公開番号

特開平11-155574

(43) 公開日 平成11年(1999) 6月15日

(51) Int.Cl. ⁶	識別記号	F I	
C 1 2 N 15/09	Z N A	C 1 2 N 15/00	Z N A A
C 0 7 K 14/47		C 0 7 K 14/47	
16/18		16/18	
C 1 2 N 1/21		C 1 2 N 1/21	
C 1 2 P 21/02		C 1 2 P 21/02	C
審査請求 未請求 請求項の数24 O L (全 17 頁) 最終頁に続く			

(21) 出願番号	特願平9-330020	(71) 出願人	000000217 エーザイ株式会社 東京都文京区小石川4丁目6番10号
(22) 出願日	平成9年(1997)12月1日	(72) 発明者	相根 康司 茨城県つくば市春日5-1-3 つくばね 寮302

(54) 【発明の名称】 MDC遺伝子ファミリーに属する新規蛋白質およびそれをコードするDNA

(57) 【要約】

【課題】新規のMDC遺伝子ファミリーに属する蛋白質、それをコードする遺伝子DNAおよび該DNAを用いる遺伝子解析法を提供する。

【解決手段】ヒトMDC遺伝子をもとに設計した合成DNAプライマーを用いたPCR法により、ヒト脳mRNAから新規のMDC類似蛋白質をコードするcDNAを単離し、その構造を決定した。さらにこのDNA断片をプローブとして、ヒト脳cDNAライブラリーから上記蛋白質の全長をコードするcDNAを得た。

LOCUS E26532 3054 bp DNA linear PAT 18-JUN-2001
 DEFINITION Novel protein belonging to MDC gene family and DNA encoding the same.
 ACCESSION E26532
 VERSION E26532.1 GI:13026199
 KEYWORDS JP 1999155574-A/3.
 SOURCE Homo sapiens.
 ORGANISM Homo sapiens
 Eukaryota; Metazoa; Chordata; Craniata; Vertebrata; Euteleostomi; Mammalia; Eutheria; Primates; Catarrhini; Hominidae; Homo.
 REFERENCE 1 (bases 1 to 3054)
 AUTHORS Koji, S.
 TITLE Novel protein belonging to MDC gene family and DNA encoding the same
 JOURNAL Patent: JP 1999155574-A 3 15-JUN-1999;
 EISAI CO LTD

Query Match 86.7%; Score 1965.4; DB 6; Length 3054;
 Best Local Similarity 99.7%; Pred. No. 0;
 Matches 1969; Conservative 0; Mismatches 6; Indels 0; Gaps 0;

Qy 27 CTTGACACAAAGGCAAGACACCAGCAAAAACATAATAAGGCTGTCCATCTGGCCCAGGCA 86
 ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
 Db 617 CTTGACACAAAGGCAAGACACCAGCAAAAACATAATAAGGCTGTCCATCTGGCCCAGGCA 676
 Qy 87 AGCTTCCAGATTGAAGCCTTCGGCTCCAAATTCATTCTTGACCTCATACTGAACAATGGT 146
 ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
 Db 677 AGCTTCCAGATTGAAGCCTTCGGCTCCAAATTCATTCTTGACCTCATACTGAACAATGGT 736
 Qy 147 TTGTTGTCTTCTGATTATGTGGAGATTCACTACGAAAATGGGAAACCACAGTACTCTAAG 206
 ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
 Db 737 TTGTTGTCTTCTGATTATGTGGAGATTCACTACGAAAATGGGAAACCACAGTACTCTAAG 796
 Qy 207 GGTGGAGAGCACTGTTACTACCATGGAAGCATCAGAGGCGTCAAAGACTCCAAGGTGGCT 266
 ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
 Db 797 GGTGGAGAGCACTGTTACTACCATGGAAGCATCAGAGGCGTCAAAGACTCCAAGGTGGCT 856
 Qy 267 CTGTCAACCTGCAATGGACTTCATGGCATGTTTGAAGATGATACCTTCGTGTATATGATA 326
 ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
 Db 857 CTGTCAACCTGCAATGGACTTCATGGCATGTTTGAAGATGATACCTTCGTGTATATGATA 916
 Qy 327 GAGCCACTAGAGCTGGTTCATGATGAGAAAAGCACAGGTCGACCACATATAATCCAGAAA 386
 ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
 Db 917 GAGCCACTAGAGCTGGTTCATGATGAGAAAAGCACAGGTCGACCACATATAATCCAGAAA 976
 Qy 387 ACCTTGGCAGGACAGTATTCTAAGCAAATGAAGAATCTCACTATGGAAGAGGTTGACCAG 446
 ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
 Db 977 ACCTTGGCAGGACAGTATTCTAAGCAAATGAAGAATCTCACTATGGAAGAGGTTGACCAG 1036
 Qy 447 TGGCCCTTTCTCTCTGAATTACAGTGGTTGAAAAGAAGGAAGAGAGCAGTGAATCCATCA 506
 ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
 Db 1037 TGGCCCTTTCTCTCTGAATTACAGTGGTTGAAAAGAAGGAAGAGAGCAGTGAATCCATCA 1096
 Qy 507 CGTGGTATATTTGAAGAAATGAAATATTTGGAACCTTATGATTGGTAATGATCACAAAACG 566
 ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
 Db 1097 CGTGGTATATTTGAAGAAATGAAATATTTGGAACCTTATGATTGGTAATGATCACAAAACG 1156

Qy 567 TATAAGAAGCATCGCTCTTCTCATGCACATACCAACAACCTTTGCAAAGTCCGTGGTCAAC 626
 |||
 Db 1157 TATAAGAAGCATCGCTCTTCTCATGCACATACCAACAACCTTTGCAAAGTCCGTGGTCAAC 1216

Qy 627 CTTGTGGATTCTATTTACAAGGAGCAGCTCAACACCAGGGTTGTCCTGGTGGCTGTAGAG 686
 |||
 Db 1217 CTTGTGGATTCTATTTACAAGGAGCAGCTCAACACCAGGGTTGTCCTGGTGGCTGTAGAG 1276

Qy 687 ACCTGGACTGAGAAGGATCAGATTGACATCACCACCAACCCTGTGCAGATGCTCCATGAG 746
 |||
 Db 1277 ACCTGGACTGAGAAGGATCAGATTGACATCACCACCAACCCTGTGCAGATGCTCCATGAG 1336

Qy 747 TTCTCAAATACCGGCAGCGCATTAAAGCAGCATGCTGATGCTGTGCACCTCATCTCGCGG 806
 |||
 Db 1337 TTCTCAAATACCGGCAGCGCATTAAAGCAGCATGCTGATGCTGTGCACCTCATCTCGCGG 1396

Qy 807 GTGACATTTCACTATAAGAGAAGCAGTCTGAGTTACTTTGAAGGTGTCTGTTCTCGCACA 866
 |||
 Db 1397 GTGACATTTCACTATAAGAGAAGCAGTCTGAGTTACTTTGAGGTGTCTGTTCTCGCACA 1456

Qy 867 AGAGGAGTTGGTGTGAATGAGTATGGTCTTCCAATGGCAGTGGCACAAGTATTATCGCAG 926
 |||
 Db 1457 AGAGGAGTTGGTGTGAATGAGTATGGTCTTCCAATGGCAGTGGCACAAGTATTATCGCAG 1516

Qy 927 AGCCTGGCTCAAAACCTTGAATCCAATGGGAACCTTCTAGCAGAAAGCCAAAATGTGAC 986
 |||
 Db 1517 AGCCTGGCTCAAAACCTTGAATCCAATGGGAACCTTCTAGCAGAAAGCCAAAATGTGAC 1576

Qy 987 TGCACAGAATCCTGGGGTGGCTGCATCATGGAGGAAACAGGGGTGTCCCATTCTCGAAAA 1046
 |||
 Db 1577 TGCACAGAATCCTGGGGTGGCTGCATCATGGAGGAAACAGGGGTGTCCCATTCTCGAAAA 1636

Qy 1047 TTTTCAAAGTGCAGCATTTTGGAGTATAGAGACTTTTACAGAGAGGAGGTGGAGCCTGC 1106
 |||
 Db 1637 TTTTCAAAGTGCAGCATTTTGGAGTATAGAGACTTTTACAGAGAGGAGGTGGAGCCTGC 1696

Qy 1107 CTTTTCAACAGGCCAACAAAGCTATTTGAGCCACGGAATGTGGAAATGGATACGTGGAA 1166
 |||
 Db 1697 CTTTTCAACAGGCCAACAAAGCTATTTGAGCCACGGAATGTGGAAATGGATACGTGGAA 1756

Qy 1167 GCTGGGGAGGAGTGTGATTGTGGTTTTTCATGTGGAATGCTATGGATTATGCTGTAAGAAA 1226
 |||
 Db 1757 GCTGGGGAGGAGTGTGATTGTGGTTTTTCATGTGGAATGCTATGGATTATGCTGTAAGAAA 1816

Qy 1227 TGTTCCCTCTCCAACGGGGCTCACTGCAGCGACGGGCCCTGCTGTAACAATACCTCATGT 1286
 |||
 Db 1817 TGTTCCCTCTCCAACGGGGCTCACTGCAGCGACGGGCCCTGCTGTAACAATACCTCATGT 1876

Qy 1287 CTTTTTCAGCCACGAGGGTATGAATGCCGGGATGCTGTGAACGAGTGTGATATTACTGAA 1346
 |||
 Db 1877 CTTTTTCAGCCACGAGGGTATGAATGCCGGGATGCTGTGAACGAGTGTGATATTACTGAA 1936

Qy 1347 TATTGTACTGGAGACTCTGGTCAGTGCCACCAAATCTTCATAAGCAAGACGGATATGCA 1406
 |||
 Db 1937 TATTGTACTGGAGACTCTGGTCAGTGCCACCAAATCTTCATAAGCAAGACGGATATGCA 1996

Qy	1407	TGCAATCAAAATCAGGGCCGCTGCTACAATGGCGAGTGCAAGACCAGAGACAACCAGTGT	1466
Db	1997	TGCAATCAAAATCAGGGCCGCTGCTACAATGGCGAGTGCAAGACCAGAGACAACCAGTGT	2056
Qy	1467	CAGTACATCTGGGGAACAAAGGCTGCAGGGTCTGACAAGTTCTGCTATGAAAAGCTGAAT	1526
Db	2057	CAGTACATCTGGGGAACAAAGGCTGCAGGGTCTGACAAGTTCTGCTATGAAAAGCTGAAT	2116
Qy	1527	ACAGAAGGCACTGAGAAGGGAAACTGCGGGAAGGATGGAGACCGGTGGATTTCAGTGCAGC	1586
Db	2117	ACAGAAGGCACTGAGAAGGGAAACTGCGGGAAGGATGGAGACCGGTGGATTTCAGTGCAGC	2176
Qy	1587	AAACATGATGTGTTCTGTGGATTCTTACTCTGTACCAATCTTACTCGAGCTCCACGTATT	1646
Db	2177	AAACATGATGTGTTCTGTGGATTCTTACTCTGTACCAATCTTACTCGAGCTCCACGTATT	2236
Qy	1647	GGTCAACTTCAGGGTGAGATCATTCCAACCTTCCTTCTACCATCAAGGCCGGTGATTGAC	1706
Db	2237	GGTCAACTTCAGGGTGAGATCATTCCAACCTTCCTTCTACCATCAAGGCCGGTGATTGAC	2296
Qy	1707	TGCAGTGGTGCCCATGTAGTTTTAGATGATGATACGGATGTGGGCTATGTAGAAGATGGA	1766
Db	2297	TGCAGTGGTGCCCATGTAGTTTTAGATGATGATACGGATGTGGGCTATGTAGAAGATGGA	2356
Qy	1767	ACGCCATGTGGCCCGTCTATGATGTGTTTAGATCGGAAGTGCCTACAAATTCAAGCCCTA	1826
Db	2357	ACGCCATGTGGCCCGTCTATGATGTGTTTAGATCGGAAGTGCCTACAAATTCAAGCCCTA	2416
Qy	1827	AATATGAGCAGCTGTCCACTCGATTCCAAGGGTAAAGTCTGTTTCGGGCCATGGGGTGTGT	1886
Db	2417	AATATGAGCAGCTGTCCACTCGATTCCAAGGGTAAAGTCTGTTTCGGGCCATGGGGTGTGT	2476
Qy	1887	AGTAATGAAGCCACCTGCATTTGTGATTTACCTGGGCAGGGACAGATTGCAGTATCCGG	1946
Db	2477	AGTAATGAAGCCACCTGCATTTGTGATTTACCTGGGCAGGGACAGATTGCAGTATCCGG	2536
Qy	1947	GATCCAGTTAGGAACCTTCACCCCCCAAGGATGAAGGACCCAAGGGTTTGTGTG	2001
Db	2537	GATCCAGTTAGGAACCTTCACCCCCCAAGGATGAAGGACCCAAGGGTCCTAGTG	2591